

تعیین ژنوتیپ ایزوله‌های گوسفندی و انسانی کیست هیداتید در ایلام

مرتضی شمسی^۱، عبدالحسین دلیمی^{۲*}، افرا خسروی^۳، فاطمه غفاری^۴ فر

(۱) گروه انگل شناسی، دانشکده علوم پزشکی، دانشگاه تربیت مدرس، تهران، ایران

(۲) گروه ایمنولوژی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی ایلام، ایران

تاریخ پذیرش: ۹۴/۲/۲۱

تاریخ دریافت: ۹۳/۱۱/۱۸

چکیده

مقدمه: بیماری اکینوкокوزیس یکی از مهم ترین بیماری های مشترک بین انسان و حیوان در بسیاری از مناطق دنیا از جمله ایران است که توسط مرحله لاروی کرم اکینوкокوس گرانولوزوس ایجاد می گردد. این انگل از تنوع ژنتیکی بسیار بالایی برخوردار است و شامل کمپلکسی از ژنوتیپ (استرین) های مختلف است. معمولاً در مناطقی که بیماری آندمیک است، تنوع ژنتیکی نسبتاً زیادی در انگل از لحاظ بیولوژی وجود دارد. تحقیقات انجام شده در مناطق مختلف دنیا نشان می دهد که تنوع ژنوتیپی و ماهیت کمپلکس اکینوкокوس گرانولوزوس، بر چرخه زندگی انگل، مسیرهای انتقال، بیماریزایی، آنتی ژنیسیته، ایمنی زایی، پاسخ به داروها، همه گیر شناسی و کنترل این بیماری تاثیرگذار است. این مطالعه برای اولین بار با هدف تعیین ژنوتیپ ایزوله های گوسفندی و انسانی کیست هیداتید در استان ایلام انجام شد.

مواد و روش ها: تعداد ۲۰ نمونه کیست هیداتید گوسفندی از کشتارگاه صنعتی ایلام و ۱۰ نمونه انسانی از بیمارستان های شهرستان ایلام جمع آوری شد. پس از استخراج DNA ژنومی پروتواسکولکس ها، نواحی *mitDNA NADH* *dehydrogenase subunit 1 (nad1)* توسط PCR تکثیر و محصولات PCR با استفاده از روش PCR-RFLP آنالیز شدند.

یافته های پژوهش: بر اساس نتایج به دست آمده، اندازه قطعات *nad-1* تکثیر یافته، ۵۵۰ bp بود. الگوهای قطعات به دست آمده از محصول PCR بعد از برش با آنزیم های *Rsa1* و *Alu1* نشان داد که تمامی نمونه ها، الگوی RFLP مشابه داشتند اما با آنزیم *HpaII* هیچ گونه برشی ایجاد نگردید.

بحث و نتیجه گیری: نتایج این مطالعه نشان داد در این منطقه حداقل یک ژنوتیپ از انگل حضور دارد که متعلق به کمپلکس (G1-G3) می باشد.

واژه های کلیدی: اکینوкокوس گرانولوزوس، ژنوتیپ، PCR-RFLP، ایلام

*نویسنده مسئول: گروه انگل شناسی، دانشکده علوم پزشکی، دانشگاه تربیت مدرس، تهران، ایران

Email: dalimi_a@modares.ac.ir

PCR-RFLP استفاده می شود. به طوری که این روش ها برای تعیین سویه های اکینوкокوس گرانولوزوس و هم چنین الگوی انتقال انگل در میزبان های واسط در مناطق مختلف جغرافیایی توسط محققین مورد استفاده قرار می گیرد. جداسازی سویه ها بر اساس قرابت ژنی ژن های موجود در توالی DNA هسته، RNA ریبوزومی و DNA میتوکندریایی (ژن های nad-1 و cox-1) انجام می شود. طبقه بندی این واریانت ها بر اساس ژنوتیپ آن ها شامل توالی ژنی، RFLP قطعه rDNA ITS1 و آنالیز مقایسه ای توالی همولوگوس های DNA می باشد (۱۴). مطالعه و شناسایی ژنوتیپ های ایزوله های انسانی و گوسفندی کیست هیداتید با استفاده از ژن میتوکندریال nad-1 برای اولین بار در استان ایلام توسط این تحقیق انجام شد. استان ایلام به خاطر شرایط خاص اقلیمی، جمعیت زیاد عشایری و کوچ رو، دام پروری به عنوان یکی از مشاغل مهم و رایج مردم منطقه و نگهداری سگ توسط دام داران و روستاییان، از مناطق پر خطر ابتلای به بیماری کیست هیداتید می باشد.

مواد و روش ها

جمع آوری نمونه ها: با مراجعه به کشتارگاه صنعتی ایلام تعداد ۲۰ نمونه کیست هیداتید گوسفندی جمع آوری و به آزمایشگاه انگل شناسی دانشکده پیرا دام پزشکی دانشگاه ایلام منتقل می شد. هم چنین تعداد ۱۰ نمونه کیست هیداتید انسانی از بیماران تحت جراحی در بیمارستان های شهرستان ایلام در طول مطالعه جمع آوری شد. در آزمایشگاه پس از ضد عفونی کردن سطح کیست با لوگل، محتویات کیست ها با سرنگ استریل آسپیره شدند. برای تعیین باروری کیست، ۵ میلی لیتر از مایع کیست هیداتید سانتریفوژ گردید (۴۰۰۰ دور ۵ دقیقه). سپس زنده بودن پروتواسکولکس ها با استفاده از رنگ حیاتی ائورین (۱/۱ درصد) یا مشاهده میکروسکوپی حرکات سلول های شعله مطالعه گردید (۲۱). پروتواسکولکس های جدا شده از کیست هیداتید بارور کبد و ریه در اتانول ۸۰ درصد تا زمان استخراج DNA در فریزر -۲۰ درجه سانتی گراد نگهداری شدند.

استخراج DNA: پروتواسکولکس ها سه بار با آب مقطر استریل در ۸۰۰۰ دور به مدت ۱۰ دقیقه شستشو داده شدند. سپس عمل ذوب و انجماد مکرر به همراه سایش و خرد کردن نمونه ها در هاون چینی انجام شد. هضم اولیه پروتواسکولکس ها با افزودن بافر لیزکننده و پروتئیناز K به

هیداتیدوزیس (Hydatidosis) بیماری انگلی ناشی از نوزاد انگل اکینوкокوس گرانولوزوس (Echinococcus Granulosus) است. کرم بالغ در روده سگ و سگ - سانان (میزبان نهایی) زندگی می کند و مرحله لاروی آن یا کیست هیداتید در بدن علف خواران (میزبان واسط) تشکیل می شود. انسان نیز با مصرف سبزیجات آلوده، تماس با سگ و خاک خوری به طور تصادفی به کیست هیداتید مبتلا می شود. اهمیت بیماری در انسان به دلیل ابتلای اعضای حساس و حیاتی بدن مانند کبد، ریه و در حیوانات علف خوار به دلیل تحمل خسارت قابل توجه به اقتصاد دام پروری می باشد (۱). کرم بالغ این انگل در ایران از سگ، شغال و گرگ جدا شده است (۲،۳). نتایج مطالعات مختلف کشتارگاهی در ایران و جهان حاکی از تنوع آلودگی به کیست هیداتید با فراوانی بین ۱/۵ تا ۷۰ درصد بوده است (۴،۵). هم چنین موارد انسانی نیز به طور مداوم از نقاط مختلف کشور گزارش می شود (۳،۶،۷). معمولاً در مناطقی که بیماری آندمیک است، از نظر بیولوژی، تنوع ژنتیکی نسبتاً زیادی در اکینوкокوس گرانولوزوس وجود دارد که این تنوع داخل گونه ای بسیار، دارای سویه های ژنتیکی متعددی می باشند که در سیر تکاملی با میزبان های واسط مختلفی سازگاری یافته اند (۸،۹). این تنوع ژنتیکی ممکن است بر خصوصیات ریخت شناسی، همه گیر شناسی، درمان و کنترل سویه ها تاثیرگذار باشد (۱۰،۱۱). تا کنون ۱۰ ژنوتیپ مجزا (G1-G10) از این انگل با استفاده از روش های مولکولی بر اساس آنالیز مارکرهای ژنتیکی هسته ای و میتوکندریایی توصیف شده است (۸،۱۲-۱۵). غالب ایزوله های انسانی، ژنوتیپ G1 (سویه گوسفندی) بوده که ژنوتیپ شایع در جهان است (۱۶-۱۸). اما نتایج برخی از مطالعات حاکی از بیماریزاتر بودن برخی از سویه ها برای انسان نسبت به سایر سویه ها می باشد (۱۹). بنا بر این به علت انجام اقدامات پیشگیرانه و کنترلی بیماری، تعیین دقیق ژنوتیپ های اکینوкокوس گرانولوزوس در مناطق آندمیک ضروری به نظر می رسد (۱۶،۲۰). با توجه به اهمیتی که ژن های میتوکندریال nad-1 و cox-1 در تعیین ژنوتیپ سویه های مولد بیماری کیست هیداتید دارند، لذا برای شناخت اولیه ژنوتیپ های انگل به روش RFLP از ژن های مذکور برای شناسایی بهره گرفته شده است (۱۷). در حال حاضر برای شناسایی استرین های اکینوкокوس گرانولوزوس علاوه بر خصوصیات مورفولوژی، بیوشیمیایی و زیستی از روش های مولکولی به خصوص روش هایی بر مبنای

روش PCR: توالی‌هایی به طول ۵۵۰ bp از قطعه mitDNA-nad1 با استفاده از پرایمرهای زیر ساخت شرکت (Geen all, Korea) تکثیر شدند (۲۳، ۲۴) (جدول شماره ۱).

مدت ۴ ساعت در ۵۶ درجه سانتی‌گراد انجام شد (۲۲). برای استخراج DNA ژنومی نمونه‌ها از کیت استخراج DNA بافت (Geen all, Korea) استفاده گردید. غلظت DNA استخراج شده توسط اسپکتروفتومتر تعیین و نمونه‌ها تا زمان استفاده در ۲۰- درجه سانتی‌گراد نگهداری شدند.

جدول شماره ۱. الیگونوکلوئیدهای پرایمر مورد استفاده برای شناسایی سویه‌های اکینووکوس گرانولوزوس

پرایمر	توالی نوکلئیدی	دمای اتصال (°C)	طول قطعه تکثیری (bp)
Nad1-F (JB11)	5'-AGATTCGTAAGGGGCGCTAATA-3'	52	550
Nad1-R (JB12)	5'-ACCACTAATAATTCACCTTC-3'		

واکنش‌گرها به ۵۰ میکرولیتر رسانده شد. پس از تهیه مخلوط PCR، با تنظیم برنامه دمایی دستگاه ترموسایکلر برای ۳۰ سیکل، عمل تکثیر DNA انجام شد (جدول شماره ۲).

مخلوط PCR با حجم نهایی ۵۰ میکرولیتر شامل ۵ میکرولیتر بافر 10X، ۰/۲ میکرولیتر dNTPs، ۲ میکرولیتر کلرید منیزیم ۵۰ میلی‌مولار، ۲۵ پیکو مول از هر پرایمر، ۱ واحد آنزیم Taq DNA پلی‌مراز و ۲ میکرولیتر DNA الگو تهیه گردید. سپس با آب مقطر حجم نهایی

جدول شماره ۲. الگوی دمایی مورد استفاده برای تکثیر ژن nad-1

زمان	دما (°C)	مراحل PCR
۵ دقیقه	۹۴	واسرشت اولیه
۱ دقیقه	۹۴	واسرشت
۱ دقیقه	۵۰	اتصال
۱ دقیقه	۷۲	امتداد
۱۰	۷۲	امتداد نهایی

های GT/AC و AG/CT را شناسایی می‌کنند طبق دستورالعمل شرکت سازنده، ۱۸ میکرولیتر آب مقطر، ۲ میکرولیتر بافر مناسب آنزیم، ۱۰ میکرولیتر محصول PCR و ۲ میکرولیتر (۲۰ واحد) آنزیم مربوطه که با سمپلر به آرامی با هم مخلوط کرده و در دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد به مدت ۱۶ ساعت انکوبه شدند. پس از هضم آنزیمی محصول PCR-RFLP از طریق ژل آگاروز ۲ درصد در بافر Tris-boric-EDTA (TBE) الکتروفورز شد و با رنگ آمیزی اتیدیوم بروماید، باندهای حاصل ظهور و بررسی شدند (۲۵) (جدول شماره ۳).

بعد از اتمام تکثیر قطعه ژن مورد نظر، محصول PCR به دست آمده روی ژل آگاروز ۱/۲ درصد در بافر Tris-boric-EDTA (TBE) الکتروفورز شد و پس از رنگ آمیزی ژل با اتیدیوم بروماید، تصاویر باندهای DNA توسط دستگاه UV Documentation ساخت شرکت Bio Rad آلمان ثبت گردید. در فرآیند PCR یک نمونه به عنوان کنترل منفی (بدون استفاده از DNA) مورد استفاده قرار گرفت.

جهت هضم آنزیمی محصول (PCR-RFLP)، برای هر ایزوله به طور جداگانه از سه آنزیم آندونوکلتازی HpaII و RsaI، AluI ساخت شرکت سیناژن (فرمتاز) با غلظت ۱۰ واحد در میکرولیتر که به ترتیب توالی

جدول شماره ۳. مشخصات نمونه‌های مورد استفاده در PCR-RFLP ژن nad-1 انسان و گوسفند

طول قطعه (bp)	آنزیم	بافر	دمای هضم (°C)	طول قطعات حاصل از هضم (bp)
۵۵۰	AluI	R	۳۷	۳۰۰، ۲۵۰
۵۵۰	RsaI	R	۳۷	۳۰۰، ۲۵۰
۵۵۰	HpaII	R	۳۷	-

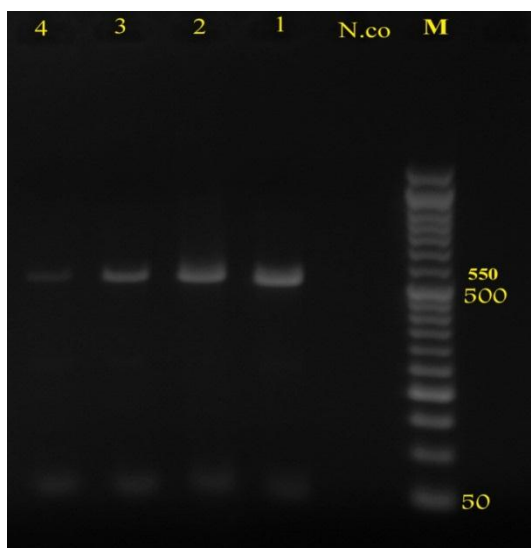
DNA پروتواسکولکس‌های این کیست‌ها با استفاده از روش PCR-RFLP، قطعه میتوکندریال nad-1 مورد بررسی قرار گرفتند. قطعه nad-1، DNA میتوکندریال اکینووکوس گرانولوزوس با روش PCR تکثیر گردید. با

یافته‌های پژوهشی

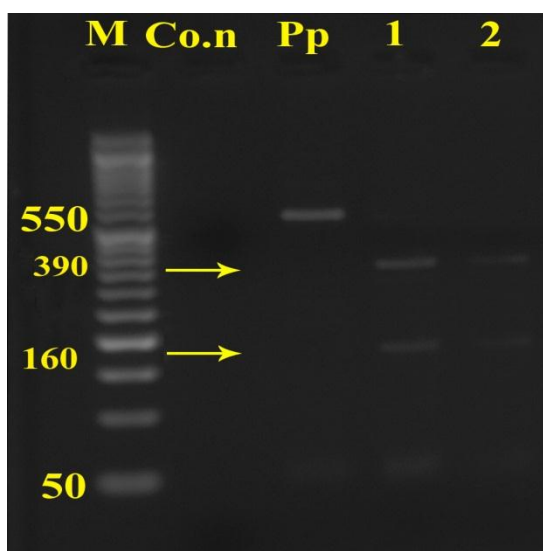
در این مطالعه تعداد ۳۰ نمونه کیست هیداتید شامل؛ ۲۰ نمونه گوسفند از کشتارگاه صنعتی ایلام و ۱۰ نمونه انسان از بیمارستان‌های شهرستان ایلام تهیه و فرآوری شدند.

PCR تمام ایزوله‌ها با دو آنزیم های *Rsa1* و *Alu1* یکسان بود. به طوری که با آنزیم *Alu1* قطعات ۱۶۰ bp و ۲۳۰ bp (*Rsa1* آنزیم (شکل شماره ۲) و با آنزیم *Rsa1* قطعات ۳۹۰ bp و ۳۲۰ bp به دست آمد (شکل شماره ۳). اما با آنزیم *HpaII* هیچ گونه برشی ایجاد نشد و اندازه قطعات حاصل در همان ۵۵۰ bp باقی ماند (شکل شماره ۴).

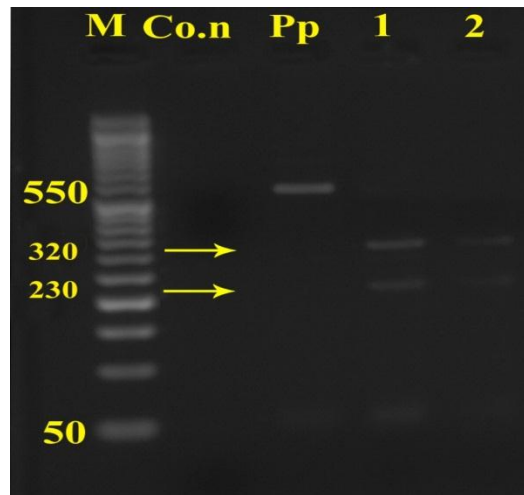
هضم آنزیم های *Rsa1*، *Alu1* و *HpaII* الگوهای حاصل بررسی شدند. محصول واکنش PCR، در تمامی نمونه‌ها باندهایی به اندازه ۵۵۰ bp بود و هیچ تکثیری در کنترل منفی مشاهده نگردید (شکل شماره ۱). پس از انجام روش RFLP باندهای ایجاد شده بر اثر برش آنزیم های مورد استفاده بر روی محصول PCR بر اساس الگوی برشی این آنزیم ها، کمپلکس G1-G3 را برای تمامی ایزوله های مورد بررسی مطرح می نماید. الگوی RFLP محصول



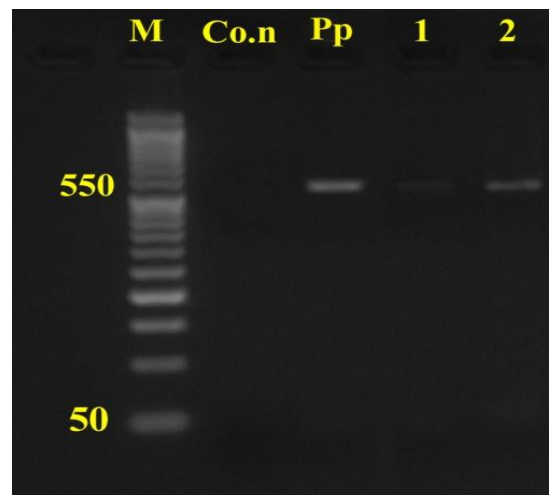
شکل شماره ۱. نتایج PCR قطعه *nad-1* از سمت راست ستون اول: DNA مارکر (۵۰ bp)، N.co: ستون دوم کنترل منفی را نشان می دهد. ایزوله‌ها به ترتیب شماره: ۲-۱) انسان، ۳-۴) گوسفند



شکل شماره ۲. قطعات هضم شده با آنزیم *Alu1*. از چپ به راست: DNA مارکر (۵۰ bp)، Co.n: کنترل منفی، Pp: محصول PCR تکثیری با ژن *nad-1* بدون آنزیم، شماره ها به ترتیب ایزوله‌ها: ۱) گوسفند، ۲) انسان



شکل شماره ۳. قطعات هضم شده با آنزیم *Ras1*. از چپ به راست: DNA مارکر (۵۰ bp)، *Co.n*: کنترل منفی، *Pp*: محصول PCR تکثیری با ژن *nad-1* بدون آنزیم، شماره ها به ترتیب ایزوله ها: (۱) گوسفند، (۲) انسان



شکل شماره ۴. قطعات هضم شده با آنزیم *HpaII*. از چپ به راست: DNA مارکر (۵۰ bp)، *Co.n*: کنترل منفی، *Pp*: محصول PCR تکثیری با ژن *nad-1* بدون آنزیم، شماره ها به ترتیب ایزوله ها: (۱-۲) گوسفند، (۳-۴) انسان

بحث و نتیجه گیری

مطالعات بود (۲۴،۲۶). هم چنین الگوی PCR-RFLP ژن *nad-1* در خصوص نمونه های تهیه شده از گوسفند و انسان، نشانگر حضور فعال کمپلکس (G1-G3) در ایلام بود. در مطالعه *Utuka* و همکاران در ترکیه بر روی ایزوله های *اکینوکوکوس گرانولوزوس* با هضم آنزیمی محصول ژن های *cox-1* و *ITS1*، سویه شایع در منطقه را سویه گوسفندی (G1) گزارش نمودند (۲۶). در بررسی ۱۰ نمونه کیست هیداتید انسانی به روش PCR-RFLP و تعیین توالی ژن *nad-1* میتوکندریال که توسط Scott و همکاران در لهستان در سال ۱۹۹۷ انجام شد، برای اولین بار یک ژنوتیپ مجزا (G9) از *اکینوکوکوس* شناسایی گردید (۱۵). در مطالعه احمدی و دلیمی، *Zahng* و همکاران و Thompson و همکاران با روش های مورفولوژی و مولکولی

بررسی مطالعات انجام شده نشان می دهد که، ژنوتیپ G1 شایع ترین علت هیداتیدوزیس انسانی در دنیا محسوب می شود (۲۸-۲۶، ۱۸-۱۶). در ایران بیماری در دام های اهلی شایع است و عفونت انسانی از مناطق مختلف کشور گزارش شده است (۶،۵،۲۹). در حال حاضر برای مطالعه سویه های *اکینوکوکوس گرانولوزوس* از روش های مولکولی به ویژه روش های مبتنی بر PCR-RFLP مانند ناحیه *nad-1* و تعیین توالی DNA میتوکندریایی استفاده می گردد که از کیفیت و کمیت مناسبی برای تهیه محصولات PCR برخوردار است (۵،۱۳،۲۰،۲۵،۲۹). در مطالعه حاضر، نتایج PCR نمونه های تهیه شده مشابه با یافته های گزارش شده در سایر

انسانی و دامی انجام شد، ژنوتیپ‌های (G1 و G3) در منطقه شناسایی شدند که با نتایج تحقیق حاضر هم خوانی دارد (۳۸). در مطالعه PCR-RFLP مقدس و همکاران که در پنج ناحیه مختلف جغرافیایی شرق ایران با استفاده از دو ژن *ITS1* و *cox-1* روی ۵۰ نمونه کیست هیداتید شتری انجام شد، ۵۴ درصد از نمونه‌ها به عنوان ژنوتیپ G1 و ۴۶ درصد نیز ژنوتیپ G6 گزارش کردند (۳۹).

نتایج مطالعه حاضر نشان داد، که سویه غالب انگل اکینووکوکوس گرانولوزوس در ایلام همانند سایر نقاط کشور استرین گوسفندی می باشد که در چرخه آن سگ میزبان اصلی و دام‌ها میزبان واسطه هستند. در ادامه مطالعه حاضر مطالعات جامع تری با تعیین توالی ژنوتیپ‌های شناسایی شده در منطقه انجام شد و نقش ژنوتیپ G1 (استرین شایع گوسفندی) به عنوان استرین شایع عامل عفونت‌های انسانی در ایلام تایید گردید که نتایج آن متعاقباً انتشار می‌یابد. لذا پیشنهاد می‌شود در خصوص نکات مطرح در پیشگیری، کنترل و در مواردی تهیه واکسن‌های نوترکیب متناسب برای سیستمیک اکینووکوکوزیس انسان و دام اقدامات موثری انجام داد و در جهت مبارزه و قطع کامل چرخه زندگی انگل در بین انسان، نشخوارکنندگان و گوشت خواران منطقه گام‌های عملی مفیدی برداشت.

سپاسگزاری

هزینه تحقیق از محل اعتبارات معاونت تحقیقات و فناوری دانشگاه تربیت مدرس در قالب پایان‌نامه دانشجویی دوره دکتری تخصصی رشته انگل‌شناسی پزشکی تأمین گردید. ضمن تشکر از کارکنان محترم آن حوزه، از همکاری صمیمانه کارکنان کشتارگاه صنعتی ایلام برای تهیه نمونه کیست‌های هیداتید گوسفندی و همکاران محترم بخش جراحی و اتاق عمل بیمارستان‌های شهرستان ایلام برای تهیه نمونه کیست‌های انسانی تقدیر به عمل می‌آید.

Reference

1. Roberts L, Janovy J, Nadler S. Foundation of parasitology. 9th ed. McGraw Hill Science; 2012.
2. Maleky F, Moradkhan M. Echinococcosis in the stray dogs of Tehran Iran. Ann Trop Med Parasitol 2000;94:329-31.
3. Eslami A, Hosseini SH. *Echinococcus granulosus* infection of farm dogs of Iran. Parasitol Res 1998;84: 205-7.

در ایزوله‌های انسانی و حیوانی با دو سیکل زندگی سگ-گوسفند و سگ-شتر به عنوان چرخه‌های فعال انگل تایید شده است (۳۱-۲۹،۱۶). در مطالعه یخچالی و همکاران به روش PCR-RFLP یافته‌های مولکولی بر اساس توالی نوکلئوتیدی ژن *nad-1* نشان داد تمامی نمونه‌های با منشاء نشخوارکنندگان و سگ، الگوی RFLP مشابه داشتند که متعلق به ژنوتیپ سویه گوسفندی (G1) بودند (۳۲). بر اساس نتایج به دست آمده از مطالعه پزشکی و همکاران، با سکانس مستقیم محصولات PCR برای ژن *cox-1* و ژن *nad-1* استرین‌ترین گوسفندی (ژنوتیپ G1) استرین غالب در گوسفند، گاو، بز و انسان بود و استرین بوفالویی (ژنوتیپ G3) نه تنها در ۱ ایزوله گوسفندی و ۱ ایزوله گاوی بلکه برای اولین بار در ایران در ۲ ایزوله انسانی گزارش شد (۳۳). بر اساس مطالعات انجام شده در ایران ژنوتیپ G1 شایع‌ترین ژنوتیپ در ایزوله‌های انسانی بوده است (۲۹،۲۷،۱۸،۵). مطالعه شهنازی و همکاران در اصفهان نشان داد که استرین گوسفندی (G1) غالب‌ترین ژنوتیپ بوده که در ایزوله‌های انسان، گاو، گوسفند و تعداد کمی از ایزوله‌های شتری یافت شد که استرین شتری (G6) در انسان، شتر و گاو نیز مشاهده شده بود که خود نشان می‌دهد استرین شتری می‌تواند به عنوان یک منبع مهم عفونت برای انسان مطرح باشد (۳۴). هانیلو و همکاران در سال ۲۰۱۲ با روش PCR-RFLP استفاده از ژن *ITS1* روی ایزوله‌های انسانی و حیوانی در زنجان نشان دادند که استرین غالب اکینووکوکوس گرانولوزوس در دام‌ها و انسان، ژنوتیپ (G1) یا همان استرین شایع گوسفندی می‌باشد (۳۵). شربت خوری و همکاران در سال ۲۰۱۰ از طریق تعیین توالی ژن‌های میتوکندریایی (*nad-1* و *cox-1*)، ایزوله‌های شتری را متعلق به دو ژنوتیپ (G1 و G3) گزارش نمودند (۳۶). در بررسی قطعه ژنی *ITS1* روی ایزوله‌های دامی با PCR-RFLP در یاسوج، سویه G1، سویه غالب ایجادکننده بیماری کیست هیداتید گزارش گردید (۳۷). در مطالعه دوستی و همکاران در ایلام که با استفاده از ژن *ITS1* روی ایزوله‌های

4. Rajabloo M, Hosseini H, Jalousian F. Morphological and molecular characterisation of *Echinococcus granulosus* from goat isolates in Iran. Acta Tropica 2012; 123:67-71.
5. Rostaminejad M, Jahani S, Cheraghpoor K, Nazemallohoseini Mojarad E, Taghipour N, Zali MR. Hydatid cyst prevalence in slaughtered animals, A neglected health problem. Paramed Sci J 2012; 3:25-9.

6. Rokni MB. Echinococcosis /hydatidosis in Iran. Iran J Parasitol, 2009; 4: 1-16.
7. Bastani b, Dehdashti F. Haptic hydatid disease in Iran, with review of the literature. Mt Sinai J Med 1995;62:62-9.
8. Bowles J, Blair D, McManus DP. Genetic variants within the genus *Echinococcus* identified by mitochondrial DNA sequencing. Mol Biochem Parasitol 1992;54:156-73.
9. Khosravi A, Shamsi M, Sadeghifard N, Ghafourian S. Evaluation of mice, sheep and human IgG and IgE antibody responses against the mice Crude Hydatid Cyst Fluid (HCF) antigens. J Cell Ani Biol 2012; 6:66-72.
10. RostamiNejad M, Nazemalhosseini Mojarad E, FasihiHarandi M. Echinococcosis: based on molecular studies in Iran. Gastroenterol Hepatol Bed Bench 2010; 3:169-176.
11. Yanagida T, Mohammadzadeh T, Kamhawi Sh, Nakao M, Sadjjadi M, Hijjawi N. et.al. Genetic polymorphisms of *Echinococcus granulosus* sensu stricto in the Middle East. Parasitol Int 2012; 61:599-603.
12. Thompson RCA, The taxonomy, phylogeny and transmission of *Echinococcus*. Exp Parasitol 2008;119:439-46.
13. Thompson RCA, McManus DP. towards a taxonomic revision of the genus *Echinococcus*. Trends Parasitol 2002;18:452-57.
14. Lavikainen A, Lehtinen MJ, Meri T, Hirvelakoski V, Meri S. Molecular genetic characterization of the Fennoscandian cervid strain, a new genotypic group (G10) of *Echinococcus granulosus*. Parasitol 2003;127:207-15.
15. Scott JC, Stefaniak J, Pawlowski ZS, McManus DP. Molecular genetic analysis of human cystic hydatid cases from Poland: identification of a new genotypic group (G9) of *Echinococcus granulosus*. Parasitol 1997; 114:37-43.
16. McManus DP, Thompson RCA. Molecular epidemiology of cystic echinococcosis. Parasitol 2003;127:37-51.
17. Nakao M, McManus DP, Schantz PM, Craig PS, Ito A. A molecular phylogeny of the genus *Echinococcus* inferred from complete mitochondrial genomes. Parasitol 2007;134:713-22.
18. Kia EB, Rahimi H, Sharbatkhori M, Talebi A, Harandi MF, Mirhendi H. Genotype identification of human cystic echinococcosis in Isfahan, central Iran. Parasitol Res 2010;107:757-60.
19. McManus DP, Smyth JD. Hydatidosis: changing concepts in epidemiology and speciation. Parasitol Today 1986;2:163-8.
20. McManus DP. The molecular epidemiology of *Echinococcus granulosus* and cystic hydatid disease. Trans R Soc Trop Med Hyg 2002;1:51-7.
21. Baba H, Messedi A, Masmoudi S, Zribi M, Sahnoun Y. Diagnosis of human hydatidosis: comparison between imagery and six serologic techniques. Am J Trop Med Hyg 1994;50: 64-8.
22. Dyachenko V, Pantchev N, Gawlowska S, Globokar MV, Bauer Ch. *Echinococcus multilocularis* infections in domestic dogs and cats from Germany and other European countries. Vet Parasitol 2008;151:97-109.
23. Bowles J, McManus DP. NADH dehydrogenase I gene sequences compared for species and strains of the genus *Echinococcus*. Int J Parasitol 1993;23:969-72.
24. Bowles J, Blair D, McManus DP. Genetic variants within the genus *Echinococcus* identified by mitochondrial DNA sequencing. Mol Biochem Parasitol 1992;54:165-73.
25. Bowles J, McManus DP. Rapid discrimination of *Echinococcus* species and strains using a polymerase chain reaction-based RFLP method. Mol Biochem Parasitol 1993;57: 231-9.
26. Utuka AE, Simsek S, Koroglu B, E, McManus DP. Molecular genetic characterization of different isolates of *Echinococcus granulosus* in east and southeast regions of Turkey. Acta Tropica 2008;107:192-4.
27. Jamali R, Ghzanchaei A, Asgharzadeh M. Identification and characterization of *Echinococcus granulosus* by PCR- RFLP technique in Tabriz district. J Parasitic Diseases 2004;28:69-72.
28. Sharbatkhori M, Mirhendi H, Fasihi Harandi M, Rezaeian M, Mohebbi M, Eshraghian M, et.al. *Echinococcus granulosus* genotypes in livestock of Iran indicating high frequency of G1 genotype in camels. Exp Parasitol 2010; 124:373-9.

29. Khosravi A, Ghafourian S, Shamsi M, Sadeghifard N, Maleki A, Babaahmadi E. Cross-Reaction between the Crude Hydatid Cyst Fluid Antigens of Human and Animals Origin in Response to Human IgG Class and Subclasses. *J Parasitol Res* 2012; 947948:1-8.
30. Ahmadi N, Dalimi A. Charactrization of *Echinococcus granulosus* isolates from human, sheep and caml in Iran. *Infect Genetic Evolution* 2006;6:85-90.
31. McManus DP. Molecular technology: improving strategies for controlling hydatid disease and cysticercosis. *Southeast Asian J Trop Med Public Health* 1990;21:161-73.
32. Yakhchali M, Mardani K. [Study on *Echinococcus granulosus* genotype diversity in domestic cycle using nucleotide sequence of *nda-1* gene]. *Iran Vet J* 2011;7:63-9.(Persian)
33. Pezeshki A, Akhlaghi L, Sharbatkhori M, Razmjou E, Oormazdi H, Mohebal M. Genotyping of *Echinococcus granulosus* from domestic animals and humans from Ardabil Province, northwest Iran. *J Helminthol* 2013;87:387-91.
34. Shahnazi M, Hejazi H, Salehi M, Andalibi AR. Molecular chaeacterization of human and animal *Echinococcus granulosus* isolare in Isfahan,Iran.*Acta Trop* 2011;117:47-50.
35. Haniloo A, Farhadi M, Farzali A, Nourian A. [Genotype characterization of hydatid cysts isolated from Zanjan using PCR-RFLP technique]. *Zanjan Univ Med Sci J* 2012;84:57-65.(Persian)
36. Sharbatkhori M, Fasihi Harandi M. Sequence analysis of *cox-1* and *nad-1* genes in *Echinococcus granulosus* G 3 genotype in camels (*Camelus dromedarius*) from central Iran. *Parasitol Res* 2011; 3:521–7.
37. Sadri A, Moshfe A, Doosti A, Ansari H, Abidi H, Ghorbani Dalini S. [Characterization of isolated hydatid cyst from slaughtered livestock in Yasuj industrial slaughterhouse by PCR-RFLP]. *Yasuj Uni Med Sci J* 2012;3:243-52.(Persian)
38. Dousti M, Abdi J, Bakhtiyari S, Mohebal M, Mirhendi SH, Rokni MB. Genotyping of hydatid cyst isolated from human and domestic animals in Ilam province, western Iran using PCR-RFLP. *Iran J Parasitol* 2013;1:47–52.
39. Moghaddas E, Borji H, Naghibi A, Shayan P, Razmi GR. Molecular genotyping of *Echinococcus granulosus* from dromedaries (*Camelus dromedarius*) in eastern Iran.*J Helminthol* 2013; 10:1-5.



Determination of Genotype Isolates of Human and Sheep Hydatid Cyst in Ilam

Shamsi M¹, Dalimi A^{1*}, Khosravi A², Ghafarifar F¹

(Received: February 7, 2015 Accepted: May 11, 2015)

Abstract

Introduction: Echinococcosis disease is one of the most common diseases of human and animals in many parts of the world, including Iran, which is caused by larval stage of *Echinococcus granulosus*. This parasite has a high genetic diversity and including a complex of different genotypes (strains). Usually in areas where disease is endemic, there is a relatively high genetic diversity in parasite biologically. Studies in different parts of the world demonstrate that genotype variation and the nature of *Echinococcus granulosus* influenced on the life cycle of parasite, transmission routes, pathogenesis, and antigenicity, immunogenicity, response to medication, epidemiology and control of the disease. The aim of present study was to determination of genotype isolates of human and sheep hydatid in Ilam province for the first time.

Materials & methods: 20 hydatid cyst samples were collected from sheep Ilam

Industrial slaughterhouses and 10 human samples from Ilam hospitals. After DNA extraction of protoscoleces, mitDNA NADH dehydrogenase subunit 1 (nad-1) areas was amplified by PCR and the PCR products were analyzed by PCR-RFLP.

Findings: Based on the results which obtained, the size of proliferative nad-1 products was 550 base pairs. Patterns of parts which obtained from PCR products after cutting by Alu1 and Rsa1 enzymes showed that all samples had a similar RFLP pattern but HpaII enzyme did not cut any region and had no change in fragment size.

Discussion & Conclusions: The results of this study indicated that there is at least one genotype of parasite in this region which belongs to (G1-G3) complex.

Keywords: Echinococcus granulosus, Genotypes, PCR-RFLP, Ilam

1. Dept of Parasitology, faculty of Medical Sciences, Tarbiat Modares University, Tehran, Iran.

2. Dept of Immunology, faculty of Medicine, Ilam University of Medical Sciences, Ilam, Iran.

* Correspondin author Email: dalimi_a@modares.ac.ir