

بررسی ارتباط پلی مورفیسم ژن کولین دهیدروژناز rs12676 با نا باروری در جمعیتی از مردان نا بارور استان گیلان

میلاد پور جعفر^۱، حمید رضا وزیری^{۲*}، طوبیا میرزا پور

- (۱) گروه ژنتیک، پردیس دانشگاهی، دانشگاه گیلان، رشت، ایران
 (۲) گروه زیست شناسی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه گیلان، رشت، ایران
 (۳) گروه زیست شناسی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه محقق اردبیلی، اردبیل، ایران

تاریخ پذیرش: ۹۵/۳/۱۸

تاریخ دریافت: ۹۵/۱/۱۶

چکیده

مقدمه: در حدود ۵۰٪ موارد نا باروری به دلیل فاکتور های مردانه است. شواهدی وجود دارد که نشان می دهد، سوخت و ساز نا بجای ریز مغذی ها ممکن است نقش مؤثری در نا باروری مردان داشته باشد. کولین یک عامل حیاتی در تنظیم ساختار و سیالیت غشای اسپرم است. این ماده ی مغذی نقش مهمی در بلوغ و ظرفیت غشای اسperm دارد. پلی مورفیسم تک نوکلئوتیدی rs12676 (c.233T > G) در ژن کولین دهیدروژناز که منجر به جایگزینی اسید آمینه آرژینین به لوسمین در موقعیت ۷۸ پروتوتین محصول این ژن می شود، می تواند میزان و فعالیت این آنزیم و در نتیجه متابولیسم کولین، فرآیند تحرک سپرم، لقا و باروری را تحت تأثیر قرار دهد. هدف از انجام این مطالعه، بررسی ارتباط پلی مورفیسم ژن کولین دهیدروژناز rs12676 با نا باروری در مردان می باشد.

مواد و روش ها: در این مطالعه، ۵۰ مرد نا بارور و ۵۰ مرد سالم از استان گیلان مورد بررسی قرار گرفتند. DNA ژنومی از خون محیطی استخراج گردید و تعیین ژنتیپ با روش PCR-RFLP انجام شد. نتایج حاصل با نرم افزار Med Calc (v12.1.4.0) مورد ارزیابی قرار گرفتند.

یافته های پژوهش: تفاوت معنی داری در توزیع آلل G و T در بین افراد سالم و بیمار وجود داشت ($P<0.05$). فراوانی ژنتیپ های GG و GT در افراد بیمار به ترتیب برابر با ۲۸٪، ۵۰٪ و ۲۲٪ بود و در افراد سالم فراوانی ها برابر با ۵۲٪، ۳۶٪ و ۱۲٪ بودند و تفاوت معنی داری در توزیع این فراوانی بین افراد بیمار و سالم وجود داشت ($P<0.05$).

بحث و نتیجه گیری: به نظر می رسد ارتباط معنی داری بین پلی مورفیسم rs12676 با نا باروری مردان در جمعیت مورد مطالعه هم از لحاظ ژنتیکی و هم الی وجود دارد. جهت تایید این یافته ها، مطالعات بیشتری در جمعیت های جغرافیایی یا نژادی مختلف با تعداد بیشتری از بیماران و افراد کنترل لازم می باشد.

واژه های کلیدی: پلی مورفیسم، کولین دهیدروژناز، نا باروری ایدیو پاتیک مردان، واکنش زنجیره ای پلیمراز

* نویسنده مسئول: گروه زیست شناسی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه گیلان، رشت، ایران

Email: vaziri129@yahoo.com

یک اسمولیت آلی است که توسط سلول‌ها برای تنظیم آب سلول و در نتیجه کنترل حجم سلول استفاده می‌شود. هم چنین محیط پایداری را برای حفظ ساختار پروتئین‌ها و عملکرد آنزیم‌ها و نهایتاً اعمال سلولی فراهم می‌کند (۱،۷). ژن CHDH دارای تعداد زیادی پلی مورفیسم تک نوکلئوتیدی می‌باشد که یکی از مهم ترین آن‌ها که روی فعالیت آنزیم اثر می‌گذارد، پلی مورفیسم تک نوکلئوتیدی rs12676 می‌باشد. این پلی مورفیسم ناشی از جا به جایی بازگوایی باز تیمین در نوکلئوتید شماره ۴۳۲T>G (+432T>G) از ابتدای mRNA یا نوکلئوتید ۲۳۳ از جایگاه آغاز ترجمه (c.233T>G) در اگزون شماره ۳ این ژن می‌باشد که منجر به جایگزینی اسید آمینه آرژنین به لوسین در موقعیت ۷۸ پروتئین (p.Leu78Arg) محصلو این ژن می‌شود. این جایگزینی در قسمت کدینگ آنزیم رخ می‌دهد و روی میزان آنزیم اثر می‌گذارد بنا بر این یک پلی مورفیسم عملکردی می‌باشد (۳). مطالعات قبلی نشان داده است که افراد حامل آلل ضعیف T با افزایش استعداد ابتلا به اختلال عملکرد ارگان، با مصرف کم کولین در رژیم غذایی و افزایش خطر ابتلا به سرطان پستان در ارتباط هستند. هم چنین اطلاعات نشان می‌دهند که پلی مورفیسم مذکور ممکن است بر روند اسپرماتوژنر انسان و در نتیجه بر پتانسیل باروری مردان تأثیر بگذارد (۳). هدف از این تحقیق بررسی ارتباط پلی مورفیسم rs12676 ژن کولین دهیدروژناز با ناباروری مردان بود. نتایج این تحقیق شاید بتواند در زمینه پیش‌آگهی و درمان این بیماری بهره برداری شود.

مواد و روش‌ها

در این تحقیق، ۱۰۰ مرد از استان گیلان مورد بررسی قرار گرفتند که از این تعداد ۵۰ نفر مبتلا به ناباروری بودند و ۵۰ نفر نیز مردان باروری بودند که به عنوان گروه کنترل یا سالم در نظر گرفته شدند. محدوده سنی در مردان نابارور ۴۵-۲۶ سال و میانگین سنی ۴۱-۲۷ سال بود. در گروه کنترل نیز محدوده سنی افراد ۸۵/۳۳ سال و میانگین سنی برابر با ۸۵/۳۳ سال بود که از این نظر تطابق سنی بین افراد در گروه‌های

مقدمه

به عدم توفیق زوجین در آبستنی پس از طی یک سال مقاربت‌های منظم و متوالی، بدون بهره گیری از روش‌های پیشگیری از آبستنی، ناباروری گفته می‌شود (۱). حدود نیمی از موارد ناباروری به دلیل فاکتورهای مردانه می‌باشد (۲). در ۵۸-۳۷٪ از موارد ناباروری در مردان هیچ دلیل قابل شناسایی دیده نمی‌شود. ناباروری ایدیوپاتیک در مردان، به عنوان کاهش غیر قابل توصیف در کیفیت منی حداقل در یک یا چند پارا متر (تعداد، حرکت، مورفولوژی) و با تست جسمانی و اندوکرینی طبیعی تعریف می‌شود (۲). شناخت و درک ناباروری‌ها و تنوع‌های ژنتیکی و چگونگی تاثیر بر اسپرماتوژنر و لفاح، شناس غلبه بر ناباروری مردان را افزایش می‌دهد. شواهدی وجود دارد که نشان می‌دهد سوخت و ساز نابجای ریز مغذی‌ها، ممکن است نقش مؤثری در ناباروری با علل مردانه بازی کند (۳). ارتباط بین وضعیت کلی تغذیه‌ای و تولید مثل به خوبی مشخص شده است و شواهدی وجود دارد که نشان می‌دهد سوخت و ساز نابجای ریز مغذی‌ها ممکن است نقش مؤثری در ناباروری با علل مردانه داشته باشد. کمبود ویتامین‌های A، C و E، هم چنین فلزات ضروری مانند روى و سلنیوم با ناباروری مردان در ارتباط است. هم چنین گزارش شده است که متابولیسم کولین هم با ناباروری مردان در ارتباط است (۴). کولین یک ماده‌ای مغذی ضروری محلول در آب است که معمولاً در گروه ویتامین‌های B-complex قرار می‌گیرد و برای رشد طبیعی جنین نیز اهمیت دارد (۴). کولین و متابولیت‌های آن از جمله بتائین، نقش حیاتی در متابولیسم و نقل و انتقال چربی‌ها، فرایند متیلاسیون و بیوستترزهای نورو ترنسپتیر ها دارند (۵). رونوشت هایی از ژن کولین دهیدروژناز (CHDH) در بیضه‌ی انسان مشاهده شده است که نشان دهنده‌ی بیان این ژن در این بافت است (۶). کولین دهیدروژناز با اکسیداسیون کولین به بتائین در غشاء داخلی میتوکندری نقش مهمی در متابولیسم کولین دارد (۲). بتائین به عنوان یک متابولیت کولین، گروه‌های متیل را از هموسیستئین برای تشکیل متیونین در اختیار می‌گذارد و

(محصول شرکت BioRad) انجام شد. باقیمانده‌ی محصول جهت هضم آنزیمی به مدت ۳ ساعت در مجاورت آنزیم *PauI* (*BssHII*) در دمای ۳۷ درجه سانتی گراد قرار گرفت. پس از اتمام مدت انکوباسیون، محصولات مجدداً روی ژل آگارز ۳ درصد الکتروفوروز و مورد بررسی قرار گرفتند (شکل ۱). در پایان آنالیز داده‌ها با استفاده از نرم افزار Med Calc نسخه ۱۲ انجام شد.

یافته‌های پژوهش

در این تحقیق به منظور بررسی فراوانی آللی (T و G) و ژنوتیپ‌های CHDH (TT، GT و GG) در جمعیت مورد مطالعه (۵۰ فرد بیمار و ۵۰ فرد کنترل) از روش PCR-RFLP استفاده گردید. همان طور که در جدول شماره ۳ مشخص است در بین افراد بیمار، فراوانی آلل‌های G و T به ترتیب برابر با ۴۷ و ۵۳ و درصد در افراد سالم به ترتیب برابر با ۷۰ و ۳۰ بود. تفاوت مشاهده شده بین افراد بیمار و سالم با توجه به نتیجه آزمون Chi-Square (P=۰/۰۲) و $\chi^2=۵/۴۰$ از لحاظ آماری معنی دار بود. بنا بر این توزیع نوع آلل مربوطه در بین افراد سالم و بیمار متفاوت است و حضور آلل T با توجه به میزان نسبت شانس (OR) برابر ۰/۰۶ و P<۰/۰۵ یک فاکتور خطر محسوب می‌شود. در رابطه با فراوانی ژنوتیپ‌های CHDH نشان داد که در بین افراد بیمار فراوانی ژنوتیپ‌های GG، GT و TT به ترتیب برابر با ۲۸، ۵۰ و ۲۲ درصد و در افراد سالم به ترتیب برابر با ۳۶ و ۱۲ درصد بود. تفاوت مشاهده شده بین افراد بیمار و سالم با توجه به نتیجه آزمون Chi-Square (P=۰/۰۴) و $\chi^2=۶/۲۱$ از لحاظ آماری معنی دار بود و با توجه به میزان OR برای ژنوتیپ‌های GT و TT که برابر با ۰/۰۵ و ۰/۰۴ بود. نتایج پیشنهاد می‌کند که احتمالاً این ژنوتیپ‌ها خطر ابتلا به نا باروری را در مردان افزایش می‌دهد و فاکتور منفی محسوب می‌شوند.

مورد مطالعه وجود داشت. خصوصیات کلی افراد مورد بررسی، در جدول ۱ شماره نشان داده شده است. آنالیز استاندارد مایع منی بر اساس معیارهای سازمان سلامت جهانی در افراد نا بارور انجام شد نتیجه‌ی آزمایش اسپرمogram افراد بیمار حالت لوکو اسپرمی (Leucospermia)، اسپرمی (Oligozoospermia)، تراتوزو (Teratozoospermia) و نرموم اسپرمی (Asthenozoospermia) (Normospermia) را نشان داد. این افراد حداقل دو سال تحت درمان پزشک معالج خود بوده اند. افراد کنترل نتیجه‌ی آزمایش اسپرم گرام آن‌ها طبیعی بود و حداقل دارای یک فرزند بودند. افراد شاهد و بیمار در این بررسی سابقه‌ی بیماری‌های خاص مانند سرطان و سایر بیماری‌های حاد را نداشتند و از مشروبات کلی و مواد مخدر استفاده نمی‌کردند. از تمام افراد شرکت کننده در این مطالعه رضایت نامه‌ی کتبی بر اساس توافق نامه اخلاقی هلسینکی فنلاند دریافت شد. پس از اخذ رضایت نامه، ۱ میلی لیتر خون از آنان اخذ شد و جهت استخراج DNA در لوله‌های EDTA به آزمایشگاه انتقال داده شد. DNA ژنومی توسط کیت GPP-Solution (محصول شرکت ژن پژوهان) از لوکوسیت‌های خون محیطی و طبق دستور العمل شرکت سازنده استخراج گردید. به منظور بررسی کیفیت DNA استخراج شده، روش الکتروفوروز افقي انتخاب شد. تعیین ژنوتیپ با استفاده از واکنش زنجیره‌ای پلی مراز به روش هضم آنزیمی-PCR و RFLP انجام شد. برای انجام PCR از پرایمرهای مربوطه (جدول ۲) استفاده شد. تکثیر به روش واکنش زنجیره‌ای پلی‌مراز، بر اساس پروفایل حرارتی شامل: واسرشت سازی اولیه به مدت ۵ دقیقه در دمای ۵۰/۸۰°C ۳۵ سیکل با برنامه ۹۵°C (۱ دقیقه)، ۹۵°C (۱ دقیقه)، ۷۲°C (۱ دقیقه) و در نهایت به مدت ۵ دقیقه در ۷۲°C در دستگاه ترمو سایکلر (محصول شرکت BioRad) انجام شد. سپس محصولات حاصل از PCR روی ژل آگارز ۲ درصد، الکتروفوروز گردید و آشکار سازی باند‌ها توسط دستگاه ژل داک

جدول ۱: مشخصات گروه‌های بیمار و شاهد مورد مطالعه.

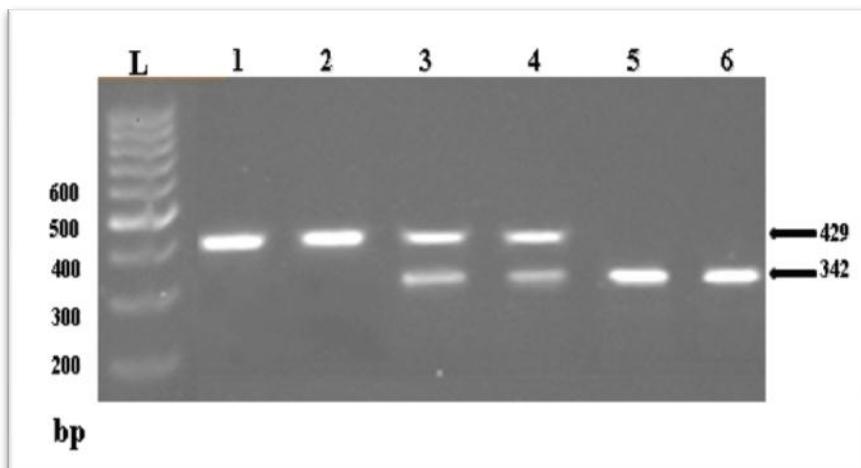
مشخصات	شاهد	تعداد (درصد)	بیمار	تعداد
	شاهر	(درصد)	تعداد	تعداد (درصد)
صرف سیگار	(۸)۴	(۲۰)۱۰		
صرف الکل	(۴)۲	(۸)۴		
صرف مواد مخدر	(۲)۱	(۶)۳		
سابقه خانوادگی بیماری	.	(۱۰)۵		

جدول ۲: توالی پرایمرهای مورد استفاده در PCR

توالی آغازگرهای	اندازه قطعه تکثیر شده	دما اتصال	ن
	(bp)	(°C)	
F:5'ATACCCTGGATATCGGGAGTT-3' R:5'-GCACCAAGTTGTACCTGTCG -3'	۴۲۹	۵۰/۸	<i>CHDH</i>

جدول ۳: فراوانی ژنتیکی و آللی پلی مورفیسم *rs12676* ... کولین دهیدروژناز در مردان مبتلا به نا باروری و مردان بارور

P	ارزش	OR فاصله اطمینان %۹۵	بیمار تعداد(درصد)	شاهد تعداد(درصد)	ژنتیک آلل
--		(مرجع)	(۲۸)۱۴	(۵۲)۲۶	GG
.۰/۳		(۱/۰-۶-۶/۲۷)۲/۵۷	(۵۰)۲۵	(۳۶)۱۸	GT
.۰/۴		(۱/۰-۳-۱۱/۱۷)۳/۴۰	(۲۲)۱۱	(۱۲)۶	TT
--		(مرجع)	(۵۳)۵۳	(۷۰)۷۰	G
.۰/۱		(۱/۱۵-۳/۶۹)۲/۰۶	(۴۷)۴۷	(۳۰)۳۰	T



شکل ۱: تصویر ژل آگارز ۳٪ مربوط به هضم آنزیمی ژن *CHDH* با آنزیم *PauI* (BssH). ردیف های ۱ و ۲ که تک باند می باشند مربوط به ژنتیک آلل TT، ردیف های ۳ و ۴ که تحت هضم با آنزیم ۳ باند تشکیل داده اند مربوط به ژنتیک هترو زیگوت GT و ردیف های ۵ و ۶ با دو باند مربوط به ژنتیک GG می باشند که ۲ باند تشکیل می دهد. L، DNA مارکر ۱۰۰ جفت بازی. قطعات ۴۲۹ و ۳۴۲ جفت بازی قابل رویت و با فلش مشخص شده اند اما قطعه ۸۷ جفت بازی قابل رویت نبود.

خاصیت آب گریزی) در کدون ۷۸ آنزیم کولین دهیدروژناز می شود. این تغییر در صورتی که در جایگاه فعال آنزیم صورت گیرد بسیار حائز اهمیت است که می تواند منجر به از دست رفتن فعالیت آن گردد. نتایج تحقیقات اخیر اهمیت تنوعات ژنتیکی ژن ها در اتیولوژی بیماری ها را بسیار بر جسته کرده است. به نظر می رسد که نا هنجاری های ژنتیکی ناشناخته

بحث و نتیجه گیری

مطالعه حاضر نشان می دهد که بین پلی مورفیسم ژن کولین دهیدروژناز *rs12676* و نا باروری در جمعیتی از مردان استان گیلان ارتباط معنی داری از نظر آماری وجود دارد. این پلی مورفیسم باعث تغییر نوکلئوتید گوانین به تیمین در سطح mRNA و تغییر اسید آمینه آرژین (با خاصیت آب دوستی) به اسید آمینه لوسین (با

تا کنون مطالعات بسیار محدودی در مورد ارتباط پلی مورفیسم ژن کولین دهیدروژناز با کاهش توان باروری انجام شده است. اهمیت این ژن بر سیستم تولید مثلی مرد با مطالعه ای که روی ناک اوت ژن مذکور روی موش های مذکور صورت گرفته است، تأیید شده است. اختلال باروری این موش ها عمدها به دلیل کاهش تحرک اسپرم، مورفولوژی غیر طبیعی میتوکندری، اختلال در قطبیت غشای داخلی میتوکندری و کاهش مقدار ATP اسپرم بوده است^(۱۵). مطالعه بر روی پلی مورفیسم ژن کولین دهیدروژناز نتایج جالب توجه و گاهی اوقات متناقض داشته است. به عنوان مثال در مطالعه ای لازاردو و همکاران در سال ۲۰۱۲، آلل T اثر منفی روی غلظت اسپرم نشان داد و افراد دارای ژنتیک TT از پلی مورفیسم مذکور، کم ترین غلظت اسپرم را نشان دادند. در مقابل هیچ ارتباطی بین rs12676 ژن کولین دهیدروژناز و تحرک اسپرم دیده نشد^(۶). در مطالعه ای ژوهانسون در سال ۲۰۱۲، گروه ژنتیکی TT از پلی مورفیسم مذکور بالا ترین میزان اختلال مایع منی را در میان همه گروه ها نشان داد. هم چنین افرادی که دست کم یک آلل T را داشتند، تحرک کم تری را در مقایسه با افراد GG نشان دادند^(۳). مشابه یافته های فوق در مطالعه ای که توسط ابراهیمی و همکاران در سال ۲۰۱۴ انجام شد، ارتباط معنی داری بین این پلی مورفیسم با نا باروری با علل ناشناخته (ایدیو پاتیک) مشاهده کردند^(۱۶). در مطالعه ای حاضر، ارتباط قابل توجه بین پلی - rs12676 مورفیسم مردان مشاهده گردید. با توجه به یافته های فوق، فرضیه ای ما بر این است که آلل T ممکن است بر فعالیت کولین دهیدروژناز تأثیر منفی گذارد و منجر به کاهش پتانسیل باروری مرد شود. نتایج مطالعه اخیر، ارتباط مستقیم بین پلی مورفیسم rs12676 با نا باروری مردان را در جمعیتی از مردان استان گیلان به اثبات رساند. با وجود این که تعداد کم افراد حاضر در این مطالعه ممکن است قدرت نتیجه گیری را تحت تأثیر قرار داده باشند، اما یافته ها نشان دهنده ارتباط آنژیم کولین دهیدروژناز با پتانسیل باروری مرد است. تطبیق نتایج اولیه ای این مطالعه در گروه های بیمار

مانند حذف ها، جا به جایی های کروموزومی و پلی مورفیسم های تک نوکلئوتیدی (SNP) علت بسیاری از موارد نا باروری در مردان می باشد^(۳).

در مطالعات گذشته نقش کولین به منزله ای یک منبع مهم از گروه متیل در رژیم غذایی انسان مورد تایید قرار گرفته است^(۹). کولین و متابولیت های آن نقش اساسی در تشکیل گروه دهنده ای متیل به نام S- Adenosyl Methionine (SAM) دارد که در بیش از ۸۰ واکنش متیلاسیون بیو لوژیکی از جمله متیلاسیون RNA، DNA و پروتئین ها دخیل است. حدود ۶۵٪ فسفو لیپید های غشای پلاسمایی اسپرم حاوی کولین و اتانول آمین فسفو گلیسرید است^(۱۰). علاوه بر این گلیسرو فسفوریل کولین و کولین سنتز شده توسط سلول های اپی تیال اپیدیدیم، برای بلوغ اسپرم لازم هستند^(۱۱). این شواهد نقش احتمالاً مهم متابولیسم کولین در روند اسپرماتو ژنر را حمایت می کند. تغییرات آنزیم های شرکت کننده در متابولیسم کولین از جمله کولین دهیدروژناز به دلیل تنوع توالی ژنی و پلی مورفیسم تک نوکلئوتیدی، احتمالاً می تواند روند اسپرماتو ژنر را تحت تأثیر قرار دهد^(۶). کولین دهیدروژناز، کولین را به بتائین آلدید و سپس به بتائین تبدیل می کند، ۵ مولکول ATP در خلال اکسید اسیون یک مولکول کولین به بتائین تولید می گردد^(۱۲). غلظت بسیار بالای بتائین در بیضه در مقایسه با کبد، اندامی که تصوّر می شود اصلی ترین مکان برای متابولیسم کولین باشد، پیشنهاد می کند که بتائین احتمالاً نقش حیاتی احتمالی در عملکرد بیضه ها دارد. محیط اپیدیدیم نسبتاً هیبر اسمنتیک است (حدود ۳۴۰ mmol/kg)، در مقابل اسمalarیته ای قسمت غیر مایع کل منی و مایع دستگاه تناسلی زنان ۳۰۲-۲۷۶ mmol/kg است. این مسئله نشان می دهد که اسپرم ها متحمل یک چالش اسمزی در مجرای خروجی مثانه ای مرد می شوند و عدم توانایی تنظیم حجم در پاسخ به محیط های اسمزی متنوع، اسپرم را مستعد تورم می کند که می تواند در حرکت آن اختلال ایجاد کند. پس این امکان وجود دارد که بتائین از طریق اثر اسمزی بلوغ اسپرم را تغییر دهد^(۱۳، ۱۴).

تنوعات ژنتیکی در عملکرد این آنزیم ها، رژیم غذایی مناسب از نظر کولین به عنوان یک راه کار مناسب درمانی در پیشگیری از نا باروری اتخاذ گردد.

سپاسگزاری

بدین وسیله از همکاری صمیمانه بیماران مبتلا به نا باروری و افراد سالم در این مطالعه و معاونت محترم پژوهشی دانشگاه گیلان به دلیل حمایت مالی بخشی از پروژه تشکر و قدردانی می گردد.

بزرگ تر، اندازه گیری هم زمان سطح کولین دهیدروژناز بیضه، رونوشت ها و فعالیت آنزیم حاصل از آن و ارزیابی بلوغ هسته ای اسپرم، ممکن است دلیلی بر ارتباط پلی مورفیسم این ژن با اسپرمato ژنر غیر طبیعی باشد. بررسی ارتباط این پلی مورفیسم و نا باروری در سایر نقاط جهان به ندرت انجام شده است. با انجام تحقیقات گسترده در سطح جغرافیایی وسیع تر و گروه های نژادی بیش تر روی این پلی مورفیسم و سایر پلی مورفیسم ها می توان به تایج قابل استناد تری دسترسی یافت. در صورت اثبات دخالت این

References

1. Jungwirth A, Giwercman A, Tournaye H, Diemer T, Kopa Z, Dohle G, et al. EAU working group on male infertility. European association of urology guidelines on male infertility the 2012 update. Eur Urol 2012; 62:324-32.
2. Hamada A, Esteves SC, Agarwal A. The role of contemporary andrology in unraveling the mystery of unexplained male infertility. Open Reprod Sci J 2011; 4:27-41.
3. Johnson AR, Lao S, Wang T, Galanko JA, Zeisel SH. Choline dehydrogenase polymorphism rs12676 is a functional variation and is associated with changes in human sperm cell function. PLoS One 2012; 7: 36047.
4. Zeisel SH. Choline homocysteine and pregnancy. Am J Clin Nutr 2005; 82:719-20.
5. Zeisel SH, Blusztajn JK. Choline and human nutrition. Annu Rev Nutr 1994; 14:269-96.
6. Lazaros L, Xita N, Hatzi E, Kaponis A, Makrydimas G, Takenaka A, et al. Phosphatidylethanolamine N-methyltransferase and choline dehydrogenase gene polymorphisms are associated with human sperm concentration. Asian J Androl 2012; 14:778-83.
7. Huang S, Lin Q. Functional expression and processing of rat choline dehydrogenase precursor. Biochem Biophys Res Commun 2003; 309:344-50.
8. Garcia-Perez A, Burg MB. Role of organic osmolytes in adaptation of renal cells to high osmolality. J Membr Biol 1991; 119:1-3.
9. Niculescu MD, Zeisel SH. Diet, methyl donors and DNA methylation: interactions between dietary folate, methionine and choline. J Nutr 2002; 132:2333S-5S.
10. Hall JC, Hadley J, Domant T. Correlation between changes in rat sperm membrane lipids, protein, and the membrane physical state during epididymal maturation. J Androl 1991; 12:76-87.
11. Arrata WS, Burt T, Corder S. The role of phosphate esters in male fertility. Fertil Steril 1978; 30:329-33.
12. Kagawa T, Wilken DR, Lardy HA. Control of choline oxidation in liver mitochondria by adenine nucleotides. J Biol Chem 1965; 240:1836-42.
13. Cooper TG, Yeung CH. Acquisition of volume regulatory response of sperm upon maturation in the epididymis and the role of the cytoplasmic droplet. Microsc Res Tech 2003; 61:28-38.
14. Yeung CH, Sonnenberg E, Cooper TG. Infertile spermatozoa of c-ros tyrosine kinase receptor knockout mice show flagellar angulation and maturational defects in cell volume regulatory mechanisms. Biol Reprod 1999;61:1062-9.
15. Johnson AR, Craciunescu CN, Guo Z, Teng YW, Thresher RJ, Blusztajn JK, et al. Deletin of murine choline dehydrogenase results in diminished sperm motility. FASEB J 2010; 24:2752-61.
16. Ebrahimi M, Vaziri H, Bahadori M, Ajamian F. Genetic variation of choline dehydrogenase gene in idiopathic male infertility. Prog Biol Sci 2014; 4:123-31.



Exploring the Link Between Choline Dehydrogenase Gene Polymorphism (rs12676) and in a Guilanian Infertile Men population

Poorjafar M¹, Vaziri H^{2*}, Mirzapoor T³

(Received: April 4, 2016 Accepted: June 7, 2016)

Abstract:

Introduction: Approximately 50% of infertility cases are due to male factor. There is some evidence that aberrant micronutrient metabolism such as choline plays a critical role in male factor infertility. Choline is a crucial factor in the regulation of sperm membrane structure and fluidity, and plays an important role in the maturation and fertilizing capacity of spermatozoa. Choline dehydrogenase (*CHDH*) single nucleotide polymorphism (SNP) (rs12676) changes arginine to leucine amino acid substitution at position of 78 of the protein. This can alter the amount and activity of the *CHDH* enzyme and thus affect the metabolism of choline, sperm motility, fertilization, and fertility. The aim of this study was to investigate the association of *CHDH* gene (rs12676) polymorphism with male infertility.

Materials & methods: In this study 50 infertile men and 50 fertile men of Guilan province population were enrolled. Genomic DNA was extracted from peripheral blood. Genotypes were determined by polymerase chain reaction

(PCR) and restriction fragment length polymorphism (RFLP). Statistical analysis was performed using the MedCalc program (v12.1.4.0).

Findings: There was a significant difference in allele G and T distribution between patients and healthy subjects. The prevalence of genotype frequencies of GG, GT, TT were 28%, 50% and 22% respectively, in patients, while in healthy subjects were 52%, 36% and 12% respectively. In other words there was a significant difference in the genotype distribution of this SNP in patients compared to controls ($P<0.05$).

Discussion & conclusions: It seems that a significant association was found between *CHDH* (rs12676) polymorphism and male infertility. Larger and different racial and geographical-based studies with more patients and controls are needed to confirm our findings.

Keywords: Choline dehydrogenase, Male infertility, Polymorphism, PCR

1. Dept of Genetics, University Campus, Guilan University, Rasht, Iran

2. Dept of Biology, Faculty of Sciences, Guilan University, Rasht, Iran

3. Dept of Biology, Faculty of Sciences, Mohaghegh Ardebili University, Ardebil, Iran

* Corresponding Email: vaziri129@yahoo.com